

Nombre del Curso.

Bioinformática y modelado molecular

Duración (h).

30

Lugar.

CIDAM

Cupo (máximo y mínimo).

10-25

Contenido general.

- **Introducción al sistema operativo Linux**
- **Modelado comparativo de proteínas**
- **Bases de datos de secuencias**
- **Visualización de estructuras**
- **Uniprot, protein data bank, swiss model**

